

**Сведения о ведущей организации  
по диссертации Ульянова Сергея Владимировича  
«Механизмы формирования и поддержания  
пространственной организации эукариотического генома»,  
представленной на соискание ученой степени  
доктора биологических наук  
по специальности 1.5.3. Молекулярная биология  
в виде научного доклада**

Полное и сокращенное наименование:

Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук» (ФИЦ ИЦиГ СО РАН)

Место нахождения, почтовый адрес, телефон, адрес электронной почты, адрес официального сайта в сети «Интернет»:

630090, г. Новосибирск, пр.ак. Лаврентьева,10

<https://www.icgbio.ru>

Директор: академик, доктор биологических наук

Кочетов Алексей Владимирович

**Список публикаций сотрудников ФИЦ ИЦиГ СО РАН  
по теме диссертации:**

1. Single-Cell DNA Methylation Analysis of Chicken Lampbrush Chromosomes. Nurislamov A, Lagunov T, Gridina M, Krasikova A, Fishman V. *Int J Mol Sci.* 2022 Oct 20;23(20):12601. doi: 10.3390/ijms232012601.
2. Comparison and critical assessment of single-cell Hi-C protocols. Gridina M, Taskina A, Lagunov T, Nurislamov A, Kulikova T, Krasikova A, Fishman V. *Heliyon.* 2022 Oct 12;8(10):e11023. doi: 10.1016/j.heliyon.2022.e11023. eCollection 2022 Oct.
3. 3DGenBench: a web-server to benchmark computational models for 3D Genomics. International Nucleome Consortium. *Nucleic Acids Res.* 2022 May 25;50(W1):W4-W12. doi: 10.1093/nar/gkac396. Online ahead of print.
4. Anopheles mosquitoes reveal new principles of 3D genome organization in insects. Lukyanchikova V, Nuriddinov M, Belokopytova P, Taskina A, Liang J, Reijnders MJMF, Ruzzante L, Feron R, Waterhouse RM, Wu Y, Mao C, Tu Z, Sharakhov IV, Fishman V. *Nat Commun.* 2022 Apr 12;13(1):1960. doi: 10.1038/s41467-022-29599-5.
5. A cookbook for DNase Hi-C. Gridina M, Mozheiko E, Valeev E, Nazarenko LP, Lopatkina ME, Markova ZG, Yablonskaya MI, Voinova VY, Shilova NV, Lebedev IN, Fishman V. *Epigenetics Chromatin.* 2021 Mar 20;14(1):15. doi: 10.1186/s13072-021-00389-5.
6. Erythrocytes 3D genome organization in vertebrates. Ryzhkova A, Taskina A, Khabarova A, Fishman V, Battulin N. *Sci Rep.* 2021 Feb 24;11(1):4414. doi: 10.1038/s41598-021-83903-9.
7. Predicting Genome Architecture: Challenges and Solutions. Belokopytova P, Fishman V. *Front Genet.* 2021 Jan 22;11:617202. doi: 10.3389/fgene.2020.617202. eCollection 2020.
8. Postsynthetic On-Column 2' Functionalization of RNA by Convenient Versatile Method. Krasheninina OA, Fishman VS, Lomzov AA, Ustinov AV, Venyaminova AG. *Int J Mol Sci.* 2020 Jul 20;21(14):5127. doi: 10.3390/ijms21145127.

9. DNA barcoding reveals that injected transgenes are predominantly processed by homologous recombination in mouse zygote. Smirnov A, Fishman V, Yunusova A, Korablev A, Serova I, Skryabin BV, Rozhdestvensky TS, Battulin N. Nucleic Acids Res. 2020 Jan 24;48(2):719-735. doi: 10.1093/nar/gkz1085.
10. Time origin and structural analysis of the induced CRISPR/cas9 megabase-sized deletions and duplications involving the Cntn6 gene in mice. Pristyazhnyuk IE, Minina J, Korablev A, Serova I, Fishman V, Gridina M, Rozhdestvensky TS, Gubar L, Skryabin BV, Serov OL. Sci Rep. 2019 Oct 2;9(1):14161. doi: 10.1038/s41598-019-50649-4.
11. C-InterSecture-a computational tool for interspecies comparison of genome architecture. Nuriddinov M, Fishman V. Bioinformatics. 2019 Dec 1;35(23):4912-4921. doi: 10.1093/bioinformatics/btz415.
12. 3D organization of chicken genome demonstrates evolutionary conservation of topologically associated domains and highlights unique architecture of erythrocytes' chromatin. Fishman V, Battulin N, Nuriddinov M, Maslova A, Zlotina A, Strunov A, Chervyakova D, Korablev A, Serov O, Krasikova A. Nucleic Acids Res. 2019 Jan 25;47(2):648-665. doi: 10.1093/nar/gky1103.
13. Interpreting Chromosomal Rearrangements in the Context of 3-Dimensional Genome Organization: A Practical Guide for Medical Genetics. Fishman VS, Salnikov PA, Battulin NR. Biochemistry (Mosc). 2018 Apr;83(4):393-401. doi: 10.1134/S0006297918040107.
14. Deterministic versus stochastic model of reprogramming: new evidence from cellular barcoding technique. Yunusova AM, Fishman VS, Vasiliev GV, Battulin NR. Open Biol. 2017 Apr;7(4):160311. doi: 10.1098/rsob.160311.
15. Comparison of the three-dimensional organization of sperm and fibroblast genomes using the Hi-C approach. Battulin N, Fishman VS, Mazur AM, Pomaznoy M, Khabarova AA, Afonnikov DA, Prokhortchouk EB, Serov OL. Genome Biol. 2015 Apr 14;16(1):77. doi: 10.1186/s13059-015-0642-0.

Ученый секретарь  
ФИЦ ИЦиГ СО РАН

к.б.п.

М.П.



Орлова Г.В.